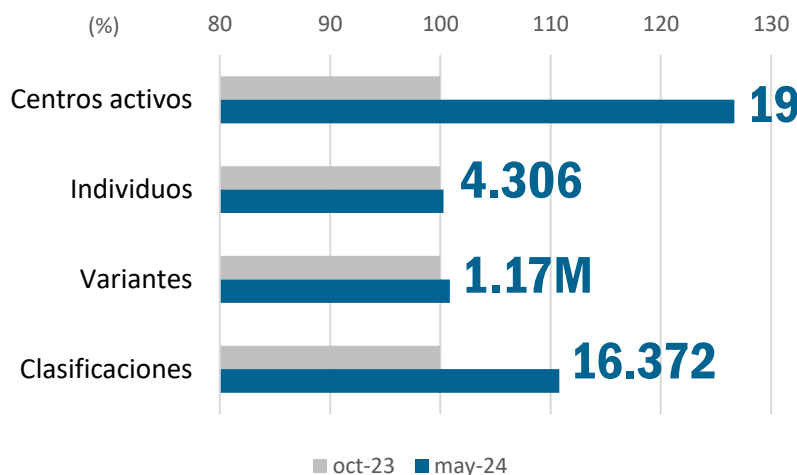


SPANish variant DAtabase for Hereditary Cancer

“La evolución de SpadaHC gracias a los centros colaboradores ha permitido finalizar el primer estudio de clasificación de variantes, resolviendo 80 discrepancias clínicamente relevantes entre 15 laboratorios nacionales. Asimismo, se ha elaborado el primer manuscrito de SpadaHC, el cual se encuentra actualmente en revisión para su publicación.”

Evolución datos registrados en SpadaHC

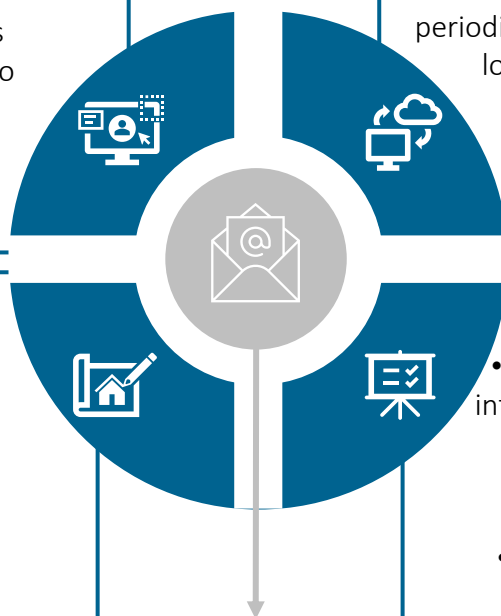


Participa como centro registrado

SpadaHC, registro nacional de variantes relacionadas con genes de cáncer hereditario, es una herramienta colaborativa y en constante evolución. Por ello, os animamos a incorporar a vuestro centro o laboratorio a la iniciativa, contribuyendo a su optimización para un mejor uso para todos.

Envía tus datos a SpadaHC

Los centros registrados pueden seguir volcando datos en cualquier momento. Se recomienda realizar la transferencia de manera periódica, con una periodicidad entre envíos no superior a los 6 meses. Los datos pueden ser clasificaciones y/o variantes de pacientes con sospecha de cáncer hereditario con consentimiento firmado.



Nuevos proyectos

SpadaHC promueve el uso de los datos para el desarrollo de proyectos de investigación dentro del área de investigación de cáncer hereditario. ¡Si estas interesado, escríbenos!

Nuevas funcionalidades

- Sistema de notificaciones para informar a los laboratorios cuando una variante de interés es reclasificada, bajo criterios personalizables.
- Nueva opción para que los IPs puedan solicitar una cuenta de usuario para miembros de su grupo

spada.hc@ciberonc.es