

V

CONGRESO INTERDISCIPLINAR EN **Genética Humana**

XXX CONGRESO AEGH

15 - 17 ABRIL

Palacio de Congresos
GRANADA 2026

PROGRAMA

#Congresogenética26

#EspecialidadesGenéticaYA

GEYSECO
GRUPO GEYSECO SL

Secretaría Técnica: c/ Marina, 27 - 08005-BCN - T 93 221 22 42
barcelona@geyseco.es - www.geyseco.es



Asociación Española
de Genética Humana



Asociación Española en
Diagnóstico Prenatal



Sociedad Española de
Asesoramiento Genético



Sección de Genética Clínica
y Dismorfología A.E.P.

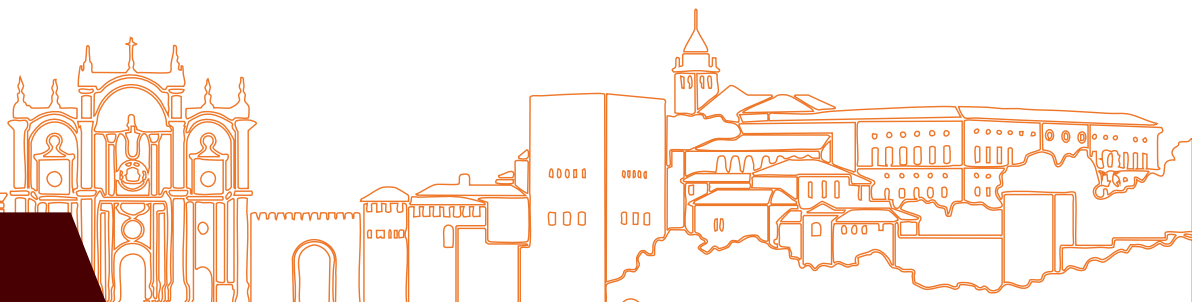


Sociedad Española de
Farmacogenética y
Farmacogenómica



COMITÉS

| Sociedad | Comité organizador | Comité científico |
|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------|
|  <p>Asociación Española de Genética Humana</p> | Encarna Guillen Navarro Miguel Ángel Moreno | Miguel Ángel Moreno Irene Valenzuela |
|  <p>Asociación Española en Diagnóstico Prenatal</p> | Javier Suela Beatriz Herrero | Toni Borrell Javier Fernández |
|  <p>Sociedad Española de Farmacogenética y Farmacogenómica</p> | Cristina Rodríguez-Antona Ana Patiño García | Francisco Abad Anna González-Neira |
|  <p>Sección de Genética Clínica y Dismorfología A.E.P.</p> | Fernando Santos-Simarro Vanesa López | Toni Martínez Monseny Anna Cueto González |
|  <p>Sociedad Española de Asesoramiento Genético</p> | Andrea Ros Montse Pauta | Anna Esteve Sara Torres |
|  <p>Sociedad Española de Bioinformática y Biología Computacional</p> | José Luis Villanueva Isabel Cuesta De La Plaza | Xavier Solé Sheila Zuñiga |
|  <p>ASD ASOCIACIÓN SALUD DIGITAL</p> | Pepe M. Olmos Julio Lorca | Fernando Martín María Gómez |



ESQUEMA

MIÉRCOLES 15 ABRIL

| | Sala Manuel de Falla | Sala Andalucía II + III | Sala Albéniz | Sala Machuca |
|-------|--------------------------------------------------------------------|-------------------------|-----------------------|-----------------------|
| 08:30 | Recogida documentación y café bienvenida área exposición comercial | | | |
| 11:00 | CEREMONIA DE INAUGURACIÓN [®] | | | |
| 11:30 | CONFERENCIA DE INAUGURACIÓN [®] | | | |
| 12:30 | Mejores Comunicaciones orales [®] | | | |
| 14:00 | Comida y Simposios paralelos industria | | | |
| 16:00 | SESIÓN PLENARIA 1 [®] | | | |
| 17:30 | Pausa descanso | | | |
| 18:00 | Comunicaciones orales | Comunicaciones orales | Comunicaciones orales | Comunicaciones orales |
| 19:30 | ASAMBLEA SOCIEDADES | | | |
| 20:30 | Cocktail bienvenida | | | |

JUEVES 16 ABRIL

| | Sala Manuel de Falla | Sala Andalucía II + III | Sala Albéniz | Sala Machuca |
|-------|----------------------------------------|-------------------------|-----------------------|-----------------------|
| 08:30 | TALLER INTERDISCIPLINAR 1 [®] | | | |
| 10:00 | Comunicaciones orales | Comunicaciones orales | Comunicaciones orales | Comunicaciones orales |
| 11:30 | Pausa Café / Visita exposición | | | |
| 12:00 | Sesiones/visita posters físicos | | | |
| 13:30 | Comida y Simposios paralelos industria | | | |
| 15:00 | SESIÓN PLENARIA 2 [®] | | | |
| 16:30 | Pausa descanso | | | |
| 17:00 | TALLER INTERDISCIPLINAR 2 [®] | | | |
| 18:30 | ASAMBLEA AEGH | | | |
| 21:00 | Cena | | | |

VIERNES 17 ABRIL

| | Sala Manuel de Falla | Sala Andalucía II + III | Sala Albéniz | Sala Machuca |
|-------|---------------------------------------------------------|-------------------------|--------------|--------------|
| 09:00 | TALLER INTERDISCIPLINAR 3 [®] | | | |
| 10:30 | Pausa café | | | |
| 11:00 | SESIÓN PLENARIA 3 [®] | | | |
| 12:30 | CONFERENCIA DE CLAUSURA [®] | | | |
| 13:30 | Sesiones institucionales y entrega premios [®] | | | |

| | |
|-------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 08:30 | RECOGIDA DE DOCUMENTACIÓN Y CAFÉ DE BIENVENIDA |
| 11:00 | CEREMONIA DE INAUGURACIÓN (Sala Manuel de Falla) Modera: Encarna Guillén. <i>Jefa del Área de Genética y Directora Estratégica de UNICAS, Hospital Sant Joan de Déu, Barcelona.</i> |
| 11:30 | SESIÓN DE INAUGURACIÓN (Sala Manuel de Falla) ILLUMINATING THE DARK CANCER GENOME USING FOUNDATION MODELS. Moderan: Cristina Rodríguez-Antona. <i>Investigador científico, Instituto de Investigaciones Biomédicas Sols-Morreale, Madrid. Presidenta SEFF.</i> Xavier Solé Acha. <i>CORE Biología Molecular, Centre de Diagnòstic Biomèdic, Hospital Clínic de Barcelona.</i> Ponente: Raúl Rabadán. <i>PhD, Professor Columbia University, New York, US.</i> |
| 12:30 | MEJORES COMUNICACIONES ORALES (Sala Manuel de Falla) Moderan: Fe García Santiago. <i>Biólogo genetista INGEMM (Instituto de Genética Médica y Molecular) Idipaz del Hospital Universitario de la Paz, Madrid. Vocal de la AEDP.</i> Irene Valenzuela Palafoll. <i>Área de Genética Clínica y Molecular, Medicine Genetics Research Group, Hospital Universitari Vall d'Hebron, Barcelona.</i> C-0032 CARACTERIZACIÓN FUNCIONAL Y CLASIFICACIÓN CLÍNICA DE 103 VARIANTES DE SPLICING EN ATM MEDIANTE MINIGENES HÍBRIDOS. Inés Llinares Burguet; Lara Sanoguera-Miralles; Alicia García-Álvarez; Elena Bueno-Martínez; Miguel de la Hoya; Eladio A. Velasco-Sampedro. C-0046 UN MARCO ARMONIZADO PARA EL DIAGNÓSTICO DE ENFERMEDADES RARAS BASADO EN RNA-SEQ EN EL CONSORCIO PANCONTINENTAL SOLVE-RD. Anna Esteve Codina; Vicente Yépez; Julien Gagneur. C-0074 PERSPECTIVAS CLÍNICAS, MOLECULARES Y FUNCIONALES DE LA DEFICIENCIA DE CORRECCIÓN DE ERRORES DE LAS POLIMERASAS E (POLE) Y Δ (POLD1). Julen Viana-Errasti; Raúl Marín; Hortensia Rivera; Gemma Aiza; Mariona Terradas; Pilar Mur; Laura Valle. C-0091 PROYECTO DE EVALUACIÓN DEL IMPACTO DE LA MENTORIA DEL ASESORAMIENTO GENÉTICO (MAG) EN ESPAÑA. Ane Miren Sagardía Fernández; María Tubío Fungueiriño; Montserrat Fernández Prieto; Fernando Alvira Iraizoz; Nelly Dewulf Pasz; Pauline Villa; Lidia Guimarães; Inés Costa; Milena Paneque; María Antonia Ramos Arroyo. C-0096 NUEVOS MECANISMOS IMPLICADOS EN LA DEFICIENCIA DE ANTITROMBINA IDENTIFICADOS MEDIANTE SECUENCIACIÓN DE CADENA LARGA: INSERCIÓN DE RETROTRANSPOSONES, MUTACIONES INTRÓNICAS PROFUNDAS Y VARIANTES ESTRUCTURALES REGULATORIAS DE LA TRANSCRIPCIÓN. Belén de la Morena Barrio Barrio; María Llamas-López; María Eugenia de la Morena-Barrio; José Padilla; Esther Navarro; David Zaragoza-Huesca; Paloma López-Correas; Francisco Iniesta; Alba Rodríguez; Carlos Bravo-Pérez; Vicente Vicente; María Luisa Lozano; Jesualdo Tomás Fernández-Breis; Javier Corral. C-0205 EXPOSICIÓN PRENATAL A FENTANILO, IDENTIFICACIÓN DE UN NUEVO TERATÓGENO. Miguel del Campo; Álvaro Martín Rodríguez. C-0392 PROGRAMA DE DIAGNÓSTICO Y TERAPIA TRASLACIONAL: ESTRATEGIAS DIAGNÓSTICAS CON GENÓMICA FUNCIONAL. Janet Hoenicka; Natàlia Caelles-Gramunt; Jordi Pijuan; Lara Cantarero; María Rodríguez-Sanz; Gemma Tort; Roberta Repossi; Berta Estévez-Arias; Mònica Roldán; Guerau Fernández; Francesc Palau. C-0425 CARACTERIZACIÓN CLÍNICA Y MOLECULAR DE LA MAYOR SERIE DE PACIENTES DESCRITA CON TRASTORNO DEL NEURODESARROLLO ASOCIADO A HIVEP2. Lucía López López; Parith Wongkittichote; Isabel Lorda Sánchez; Saoud Tahsin-Swafiri; Carmen Ayuso; Dong Li; Rubén Pérez de la Fuente; Irene Lazaro-Rodríguez; Ariadna Sánchez Suárez; HIVEP2-GeneMatcher; Duangrurdee Wattanasirichaigoon; Berta Almoguera. C-0496 PROYECTO XHECAT: UNIFICACIÓN MULTICÉNTRICA DE DATOS DE CÁNCER HEREDITARIO EN CATALUNYA. Júlia Reig-Jané; Laura Berrocal-Gómez; Sara Torres-Esquius; Francesc Balaguer; Teresa Ramón y Cajal; Sonia Servitja; Amaya Ramírez de Olano; Ana Raquel Jiménez-Macedo; Mireia Cartró; Josep Maria Borràs; Pilar Mur; Gabriel Capellà; Conxi Lazaro; Joan Brunet; Judith Balmaña. C-0536 OTC-HOPE: EL PRIMER ENSAYO CLÍNICO DE INSERCIÓN GÉNICA MEDIADA POR AAV, DIRIGIDA AL HÍGADO E IN VIVO, EN LACTANTES CON DEFICIENCIA DE ORNITINA TRANSCARBAMILASA. Ángeles García-Cazorla; Gabriel M Cohn; Julien Baruteau; Shawn E. McCandless; Gerald S. Lipshutz; Margo Sheck Breilyn; Thomas White; George A. Diaz. |

MIÉRCOLES 15 DE ABRIL

| | |
|-------|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 14:00 | COMIDA Y SIMPOSIOS PARALELOS INDUSTRIA |
| 14:45 | <p>SIMPOSIO SEQONE (Sala Manuel de Falla)</p> <p>ACCELERATED DIAGNOSIS FOR A BETTER PATIENT CARE LEVERAGING ON DIAGAI PERFORMANCE.</p> <p>Valeria Rom. PhD, Field Application Specialist, SeqOne. Marcela Galvez Bermudez. MD, MSc - Medical Director Latin America, Directora Médica Latinoamérica, Gencell.</p>  |
| 14:45 | <p>SIMPOSIO ILLUMINA (Sala Andalucía II + III)</p> <p>MÁS VALOR EN CADA GENOMA: INNOVACIONES PARA UNA GENÓMICA AVANZADA.</p> <p>Modera: Daniela Piazzolla. Medical Affairs, Illumina.</p> <p>TruPath Genome: Más simplicidad para descifrar mayor complejidad del genoma. Oscar Bolanos. Reproductive Genomics & Rare Diseases Specialist, Illumina.</p> <p>El genoma rápido en cuidados intensivos neonatales y pediátricos: Primeros resultados del Proyecto. Baby Lynx Dr. Fernando Santos Simarro. Unidad de Diagnóstico Molecular y Genética Clínica, Hospital Universitario Son Espases, Palma. Presidente Sociedad Española de Genética Clínica y Dismorfología.</p> <p>Avanzando en el Genoma en primera línea en el proceso asistencial. Dra. María Isidoro García. Directora Científica del Plan Estratégico de Medicina de Precisión de Castilla y León. Jefe de Servicio de Laboratorio Clínico, Hospital Universitario de Salamanca.</p>  |
| 14:45 | <p>SIMPOSIO BLUEPRINT GENETICS (Sala Machuca)</p> <p>IMPULSANDO LA MEDICINA DE PRECISIÓN: MAXIMIZANDO EL POTENCIAL DEL DIAGNÓSTICO GENÉTICO.</p> <p>Optimización de paneles y exoma: variantes estructurales y genoma mitocondrial. Dra. Raquel Pérez Carro. Genetista, Blueprint Genetics.</p> <p>Indicación y consideraciones especiales en los estudios genéticos de síndromes epilépticos. Dr. Álvaro Beltrán. Neurólogo especialista en epilepsia, Hospital Ruber Internacional Madrid.</p>  |
| 14:45 | <p>SIMPOSIO HEALTH IN CODE (Sala Albéniz)</p> <p>DIAGNÓSTICO DE PRECISIÓN MÁS ALLÁ DEL EXOMA: WES EN TRÍO, GENOMA Y LONG-READS COMO NUEVA REFERENCIA.</p> <p>WES en trío: potencia diagnóstica y estrategias de interpretación. Dr. Javier Porta. Director Científico, Health in Code.</p> <p>Integrando genoma y secuenciación de lectura larga en el diagnóstico de enfermedades genéticas. Dra. Alba Navarro. Responsable de Neurogenética, Health in Code.</p> <p>Uso de genoma long-reads para la mejora del diagnóstico genético en enfermedades raras: Casos prácticos. Dr. Miguel Ángel Moreno. Jefe Servicio de Genética, Hospital U. Ramón y Cajal.</p>  |

| | |
|-------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 16:00 | <p>SESIÓN PLENARIA 1 (Sala Manuel de Falla)</p> <p>IMPLEMENTACIÓN DEL PROGRAMA DE MEDICINA DE PRECISIÓN EN ESPAÑA.</p> <p>Moderan: Beatriz Sobrino. <i>Fundación Pública Galega de Medicina Xenómica, Responsable Unidad de Secuenciación, Santiago de Compostela.</i> Isabel Cuesta de la Plaza. <i>Coordinador U. Bioinformática, Unidad, Bioinformática, BU-ISCI, Unidades Centrales Científico-Técnicas y Instituto de Salud Carlos III, ISCI, Madrid.</i></p> <p>Despliegue cartera de servicios farmacogenómica. Francisco Abad Santos. <i>Jefe de Sección del Servicio de Farmacología Clínica, Hospital Universitario de la Princesa, Madrid.</i></p> <p>Sistema nacional de información genómica (SiGenEs) del SNS. M^a Fe Lapeña Gutiérrez. <i>Subdirectora General de Servicios Digitales de Salud, Dirección General de Salud Digital, Ministerio de Sanidad.</i></p> <p>IMPACT Genómica 2 (enfocado al diagnóstico de enfermedades raras). Carmen Ayuso García. <i>Jefa de Servicio de Genética. Hospital Universitario Fundación Jiménez Díaz, UAM Impact Genómica. CIBER de ER, ISCI, Madrid.</i></p> <p>UNICAS. Encarna Guillén. <i>Jefa del Área de Genética y Directora Estratégica de UNICAS, Hospital Sant Joan de Déu, Barcelona.</i></p> |
| 17:30 | <p>PAUSA – DESCANSO</p> |
| 18:00 | <p>SESIÓN COMUNICACIONES ORALES 1 (Sala Manuel de Falla)</p> <p>Moderan: Verónica Barca y Sheila Zúñiga.</p> <p>C-0247 EVALUACIÓN DEL VALOR AÑADIDO DE UN SCORE POLIGÉNICO A UN MODELO MULTIFACTORIAL EN LA ESTIMACIÓN DEL RIESGO AL CÁNCER DE MAMA EN MUJERES CON HISTORIA FAMILIAR Y/O PORTADORAS DE UNA VARIANTE PATOGENÉTICA. Anna Moreno-García; Alejandra Rezgallah-Arón; Laura Duran-Lozano; Esther Darder; Rosa Alfonso Ruiz; Mireia Cartró; Mara Cruellas; Noemí Tuset; Carolina Pena; Ana Raquel Jiménez-Macedo; Belén Pastor Piñera; Mònica Pardo; Teresa Ramon y Cajal; Consorcio CRECE-SEOM (Grupo de trabajo PRISma); Judith Balmaña.</p> <p>C-0193 MUTACIONES SOMÁTICAS EN STAG2 EN FEOCROMOCITOMAS Y PARAGANGLIOMAS SIN DIAGNÓSTICO GENÉTICO. Alberto Cascón Soriano; Mario Mira Carnicer; Rocío Letón Ruiz; Emiliano Honrado Franco; Miguel Soria Tristán; Mercedes Robledo Batanero.</p> <p>C-0298 UTILIDAD CLÍNICA DE UN PANEL DE GENES CUSTOMIZADO, MUT4CHILD, EN PACIENTES CON CÁNCER INFANTIL. Clara Venegas Mascaró; Sara de Pablos Vinader; Beatriz Ruz Caracuel; Alicia de Pablo Olaiz; Víctor Galán Gómez; Carlos González Pérez; Antonio Pérez Martínez; Adela Escudero López; Elisa Izquierdo Delgado.</p> <p>C-0318 EVALUACIÓN FUNCIONAL DE VARIANTES DE SIGNIFICADO INCIERTO EN EL GEN NBN. David Palacios Vicente; Paloma Martín-Bejarano Soto; Rogelio González Sarmiento; Ana Belén Herrero Hernández.</p> <p>C-0386 PROYECTO SEHOP-PENCIL: HACIA UNA ESTRATEGIA NACIONAL PARA LA IMPLEMENTACIÓN DEL DIAGNÓSTICO DE LOS SÍNDROMES DE PREDISPOSICIÓN A CÁNCER INFANTIL. Elisa Izquierdo Delgado; Asbleidy C Torres; Andrea Vilaplana ; Ana Patiño García; Hector Salvador; Estela Carrasco; Clara Venegas Mascaró; Teresa Imízcoz Fabra; Alba Rubio-San Simón; Cristina Saiz-Ladera; Adrián Díaz Jorge; Lide Alaña Rodrigo; M. Teresa Tormo Alcañiz; Adela Cañete Nieto; Adela Escudero López.</p> <p>C-0594 REGISTRO CRECE-SEOM: PLATAFORMA MULTICÉNTRICA Y NACIONAL DE INVESTIGACIÓN EPIDEMIOLÓGICA EN CÁNCER HEREDITARIO. Víctor González-Huici; Fernando Gálvez-Montosa; Carmen Guillén-Ponce; Raquel Jimeno Maté; Antonia Márquez-Aragonés; María del Carmen Esteban Esteban; Mireia Melé Olivé; Amaia Ramírez de Olano; Carmen Sánchez-Toro; Mara Cruellas; Ana Raquel Jiménez-Macedo; Ana Beatriz Sánchez-Heras; Joan Brunet; Judith Balmaña; Consorcio CRECE-SEOM.</p> <p>C-0044 DESCIFRANDO EL SÍNDROME DE LYNCH-LIKE. Estela Dámaso ; Adela Castillejo; Andrea Sánchez-Mira; María Isabel Castillejo; Ana Beatriz Sánchez-Heras; Ángel Segura; Isabel Chirivella; María Fonfría; Andrea Ahicart; Jacobo Martínez Santamaría; Yolanda Reyes; José Luis Soto.</p> |

SESIÓN COMUNICACIONES ORALES 2**(Sala Andalucía II + III)**

Moderan:

Miguel Ángel Moreno y Javier Fernández.**C-0397** AUTOPSIA MOLECULAR AMPLIADA: ANÁLISIS TRANSCRIPTÓMICO DE TEJIDO CARDIACO Y WGS EN CASOS DE MUERTE SÚBITA NO RESUELTOS.

Juan Antonio Jiménez Barceló; Marc Ventayol Guirado; Anna Esteve Codina; Beatriz Martín Mur; Laura Torres Juan; Jéssica Hernández Rodríguez; Aina Vaquer Picó; Maria Victoria Lull Albertí; Víctor Asensio Landa; Eugenia Cisneros Barroso; Iciar Martínez; Ana Belén García Ruiz; Consuelo Pérez Luengo; Tomas Ripoll Vera; Damià Heine Suñer.

C-0399 ANÁLISIS DE STRS MEDIANTE WGS EN LA COHORTE IMPACT-GENÓMICA: RENDIMIENTO Y HALLAZGOS DIAGNÓSTICO.

Esther Nieto Molina; Alejandra Damián-Verde; Zahara Medina-Calzada; María Barreda-Sánchez; Cinta Navarro; Verónica Martos-Gago; June Corcuera; Marcela Mena; Emma Soengas; Tomás López-Valle; Alexandra Alitsiou; Beatriz Morte; Carmen Ayuso; Pablo Lapunzina; Ángel Carracedo.

C-0095 ESTUDIO PILOTO DEL CRIBADO GENÉTICO NEONATAL: NBGENS. RESULTADOS PRELIMINARES.

Lluís Miquel Lis López; Catalina López López; Laura López Valverde; Salomé Quintáns Lago; Bruno K. Rodiño Janeiro; María Eugenia Vázquez López; María Luz Couce; Consorcio del Proyecto Críngenes.

C-0119 CARACTERIZACIÓN DE LA FRAGMENTÓMICA DEL CFDNA EN PLASMA DE PACIENTES AFECTOS DE MELANOMA O CON LESIONES MELANOCÍTICAS BENIGNAS.

Anton Fornies-Mariné; Pablo Balado-Simó; Judit Mateu; Anna Macià; Xavier Soria-Gili; Rafael Aguayo-Ortiz; Rosa María Martí; Susana Puig; Josep Malvehy; Jose Luis Villanueva-Cañas; Cristina Carrera; Joan Anton Puig Butille.

C-0409 RENDIMIENTO DE LA SECUENCIACIÓN GENÓMICA COMPLETA PARA LA DETECCIÓN DE VARIANTES ESTRUCTURALES EN ENFERMEDADES RARAS EN IMPACT-GENÓMICA.

Alejandra Damián Verde; Zahara Medina-Calzada; Esther Nieto-Molina; María Barreda-Sánchez; Cinta Navarro; Verónica Martos-Gago; June Corcuera-Tejada; Marcela Mena-Orquera; Emma Soengas; Tomás López-Valle; Alexandra Alitsiou; Beatriz Morte-Molina; Carmen Ayuso; Pablo Lapunzina; Ángel Carracedo.

C-0416 LA SECUENCIACIÓN DEL GENOMA COMO MÉTODO DE DIAGNÓSTICO PARA LA IDENTIFICACIÓN DE VARIANTES GENÉTICAS COMPLEJAS.

Eva Barroso; Kornelia Tripolszki; Mukunth Sadagapan; Daniel Polla; Vasiliki Karageorgou; Javier Martini; Alejandra Reyes; Boodor Al-Kawlani; Ligia Almeida; Krishna Kumar Kandaswamy; Daniel Sánchez-Valero; Lia Abbasi-Moheb; Peter Bauer; Aida Bertoli-Avella; Alejandro Rincón; Javier García-Planells.

C-0480 RELEVANCIA DEL ANÁLISIS GENÓMICO DE GRANDES COHORTES DE PACIENTES EN PROGRAMAS DE ENFERMEDADES RARAS NO DIAGNOSTICADAS EN EL DESCUBRIMIENTO DE NUEVOS GENES SNRNA IMPLICADOS EN TRASTORNOS DEL NEURODESARROLLO.

Beatriz Morte Molina; Esther Nieto-Molina; Marta Sevilla-Porras; Alejandra Damián-Verde; Zahara Medina-Calzada; Emma Soengas-Gonda; María Barreda-Sánchez; Cinta Navarro-Moreno; Verónica Martos-Gago; June Corcuera-Tejada; Marcela Mena-Orquera; Pablo Lapunzina; Carmen Ayuso; Ángel Carracedo; Luis Pérez-Jurado.

18:00

SESIÓN COMUNICACIONES ORALES 3**(Sala Albéniz)**

Moderan:

Montserrat Pauta y Toni Borrell.**C-0287** EL MAPEO ÓPTICO DEL GENOMA PERMITE DETECTAR REORDENAMIENTOS CROMOSÓMICOS CRÍPTICOS EN PAREJAS CON FALLO RECURRENTE DE IMPLANTACIÓN Y PÉRDIDA RECURRENTE DEL EMBARAZO QUE SE SOMETEN A TRATAMIENTOS DE REPRODUCCIÓN ASISTIDA.

Francisca María Lozano García; Belén Lledó Bosch; Ruth Morales Sabater; Jose Antonio Ortiz Salcedo; Ana Fuentes Rozalén; Andrea Bernabeu García.

C-0064 IMPACTO DEL TABAQUISMO MATERNO EN LA PROGRAMACIÓN FETAL: IMPLICACIONES DE LA DESREGULACIÓN DE MIRNAS POR METILACIÓN.

Eva Barrio Ollero; Diego Lerma Puertas; Jose Ignacio Labarta Aizpun; Ana Gascon Catalán.

C-0112 UN ANÁLISIS DE ALEATORIZACIÓN MENDELIANA SUGIERE UNA RELACIÓN GENÉTICA CAUSAL ENTRE ENFERMEDADES INMUNOMEDIADAS Y EL SÍNDROME DE SOLO CÉLULAS DE SERTOLI.

Alejandra Robles Fernández; Inmaculada Higuera Serrano; Andrea Guzmán Jiménez; Sara González Muñoz; Ana Clavero; M.Carmen Gonzalvo; María Molina Zayas; Nicolás Garrido; Sara Seixas; Joao Gonçalves; Alejandra.M Lopes; Sara Larriba; Rogelio Jesús Palomino Morales; Francisco David Carmona López; Lara Bossini Castillo.

C-0155 CARACTERIZACIÓN TRANSCRIPTÓMICA DE LOS GENES DE EFECTO MATERNO EN EL DESARROLLO EMBRIONARIO HUMANO TEMPRANO.

Xavier Vendrell Montón; Pedro de Castro; Francisco Domínguez; María-José Escriba.

C-0291 SÍNDROME RENU PRENATAL: HALLAZGOS CLÍNICOS Y EVIDENCIA GENÉTICA.

Laia Rodríguez-Revenga Bodí; Paula Trilla; Alfons Nadal; Elisenda Eixarch; Narcís Masoller; Irene Madrigal; María Isabel Álvarez-Mora; Antoni Borrell.

C-0337 ALTERACIONES GENÉTICAS EN PATOLOGÍAS DEL SISTEMA NERVIOSO CENTRAL ASOCIADAS A POLIHIDRAMNIOS.

Elena Moreno Pérez; Carlota Rodó Rodríguez; Nerea Maíz Elizaran; Silvia Arévalo Martínez; Alba Farras Llobet; Alba Casellas de Miguel; Joaquin Temprado Piqueras; María Irene Valenzuela Palafoll; Amaia Lasa Aranzasti; Carmen Laura Trujillano Lidón; Anna Cueto González; Anna Suy Franch; Miguel del Campo Casanelles.

C-0385 MÁS ALLÁ DE LA SECUENCIACIÓN DE EXOMA PRENATAL. LECCIONES APRENDIDAS DEL SEGUIMIENTO POSNATAL DE NIÑOS CON ESTUDIOS PRENATALES NO CONCLUYENTES.

Irene Valenzuela Palafoll; Marta Codina-Solà; Anna M Cueto-González; Amaia Lasa-Aranzasti; Mar Costa; Emma Lorente; Laura Trujillano; Miguel del Campo Casanelles.

18:00

| | |
|--------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <p>18:00</p> | <p>SESIÓN COMUNICACIONES ORALES 4 (Sala Machuca)</p> <p>Moderan: Javier Suela y Toni Martínez-Monseny.</p> <p>C-0292 LA EXPRESIÓN ECTÓPICA DE SIX3 COMO MECANISMO DEL SÍNDROME CRANEOFACIAL CAUSADO POR DELECCIONES EN EL LOCUS SIX2. Eduardo Calpena; Han Liu; Jingyue Xu; Louise C Wilson; Marta Albuixech; Hee Woong Lim; Yu Lan; Julia Hoefele; Arne Jahn; Sara Loddó; Agustí Rodríguez-Palmero; Luis Vilanova-Velez; Anna Znaczkó; Andrew OM Wilkie; Rulang Jiang.</p> <p>C-0294 GENOMA COMPLETO COMO ESTRATEGIA DIAGNÓSTICA EN PACIENTES NO DIAGNOSTICADOS. Juan Francisco Quesada Espinosa; Irene Lázaro Rodríguez; José Miguel Lezana Rosales; Emma Soengas Gonda; María Teresa Sánchez Calvin; Carmen Palma Milla; Rubén Pérez de la Fuente; Ursino Adrián Barrios Machain; María José Gómez Rodríguez; Lucía Lorenzo Garzón; Jaime Cruz Rojo; Ana Arteché López; Sonia Mayo de Andrés; Carlos Requena Triguero; Yolanda Moreno Saez; Pilar Quijada Fraile; Miguel Ángel Martín Casanueva.</p> <p>C-0350 ARQUITECTURA GENÉTICA DE TRASTORNOS DEL NEURODESARROLLO: ANÁLISIS MULTICÉNTRICO DE DATOS DE LOS ÚLTIMOS 15 AÑOS. Nelmar Valentina Ortiz Cabrera Cabrera; Carmen Palma Milla; Lucía López López; Caridad Martínez Serrano; Marta Pacio Miguez; Barbara Fernández Garoz; Emma Soengas Gonda; Ángela Gutiérrez Rojas; María José Gómez Rodríguez; Soraya Ramiro León; María Teresa Darnaude Ortiz; Miguel Ángel Moreno Pelayo; Ana Rosa Arteché-López; Berta Almoguera.</p> <p>C-0037 VARIANTES BIALÉLICAS EN POMT2 COMO NUEVA CAUSA DE RETINOSIS PIGMENTARIA. Pilar Barberán Martínez; Mathieu Quinodoz; Keiko Akasaka-Manyá; Lidia Fernández-Caballero; Anselmo Feliciano-Sánchez; Cécile Courdier; Anne-Françoise Roux; Siying Lin; Andrew R Webster; Santiago Ramón-Maiques; Hiroshi Manyá; Carlo Rivolta; Carmen Ayuso; Gema García-García; José M. Millán.</p> <p>C-0578 TRANSCRIPTÓMICA DE LA MIOCARDIOPATÍA HIPERTRÓFICA: IDENTIFICACIÓN DE VÍAS MOLECULARES Y PERFILES ESPECÍFICOS. Serena Evelina Margaretha Munteanu ; María Teresa Rubio Martínez-Abarca; María Jose Alcaraz; Cristina Gil Ortuño; María Elisa Nicolas Rocamora; Ángel Bernabé García; Jesús Wagih Gomez; Fernando Pérez Sanz; Ramon Aranda; Juan Pedro Hernández del Rincón; Juan Ramón Gimeno Blanes; María Sabater Molina.</p> <p>C-0359 VARIANTES INTRÓNICAS ACTÚAN COMO ALELOS HIPOMORFOS EN EL SÍNDROME DE PTERIGIUM MÚLTIPLE. Elsa Lucas Castro; Silvia Modamio-Høybjør; Mercedes León-López; Alejandra Ráez-Casarrubios; María Ángeles Gómez-Cano; Sofía Maritza Siccha-Arancibia; Purificación Marín-Reina; Fernando Santos-Simarro; Isolina Riaño-Galán; Unidad Multidisciplinar de Displasias Esqueléticas; Manuel Parrón-Pajares; Karen Heath.</p> <p>C-0418 PREVENCIÓN DE ENFERMEDADES COMUNES: IMPACTO DE VARIANTES P/LP EN GENES ACCIONABLES ACMG EN UNA COHORTE POBLACIONAL DE 102.704 INDIVIDUOS. Alejandro Rincon; Andre Fahlberg; Krishna Kumar Kandaswamy; Joaquin Ferzuli; Daniel Sanchez-Valero; Eleni Perraki; Lia Abbasi-Moheb; Jorge Pinto-Basto; Peter Bauer; Aida Bertoli-Avella; Javier García Planells.</p> |
| <p>19:30</p> | <p>ASAMBLEA SOCIEDADES</p> <ul style="list-style-type: none"> - SOCIEDAD SEFF (Sociedad Española de Farmacogenética y Farmacogenómica). (Sala Andalucía II + III) - SOCIEDAD SEGCD (Sociedad Española de Genética Clínica y Dismorfología). (Sala Albéniz) - SOCIEDAD SEAGEN (Sociedad Española de Asesoramiento Genético). (Sala Machuca) - SOCIEDAD AEDP (Asociación Española de Diagnóstico Prenatal). (Sala de Juntas) |
| <p>20:30</p> | <p>CÓCTEL BIENVENIDA. Hall Exposición del Palacio de Congresos.</p> |

| | |
|--------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <p>08:30</p> | <p>TALLER 1 (Sala Manuel de Falla)</p> <p>RETOS Y ASPECTOS ÉTICOS EN EL ANÁLISIS DEL GENOMA: CRIBADO, DIAGNÓSTICO, PREVENCIÓN.</p> <p>Moderan: Anna González-Neira. <i>Centro Nacional de investigaciones Oncológicas (CNIO).</i> Julio Jesús Sánchez. <i>Miembro de la Junta Directiva de la Asociación Salud Digital.</i></p> <p>M^a Vicenta Labrador Cañadas. <i>Jefa de la Unidad Técnica de Programas de Cribado Poblacional de la Dirección General de Salud Pública de la comunidad de Madrid.</i></p> <p>Carmen Mata Martín. <i>Coordinadora del Laboratorio de Farmacogenética del Hospital Universitario de Badajoz, Servicio Extremeño de Salud. Investigadora Posdoctoral del Instituto Universitario de Investigación Biomédica de Extremadura.</i></p> <p>Damià Heine Suñer. <i>Unidad de Diagnóstico Molecular y Genética Clínica (UDMGC) del Hospital Universitari Son Espases (HUSE), Mallorca.</i></p> <p>Anna Abulí Vidal. <i>Facultativa adjunta del Servicio de Genética, Hospital de la Santa Creu i Sant Pau, Màster en Genètica Assistencial (UAB), Barcelona.</i></p> <p>Antonio Pérez Aytés. <i>Comisión de Ética AEGH. Dismorfología y Genética Reproductiva, Grupo de Investigación en Perinatología IIS Hospital La Fe, Valencia.</i></p> <p>David Sánchez González. <i>Miembro de la directiva de FEDER.</i></p> |
| <p>10:00</p> | <p>SESIÓN COMUNICACIONES ORALES 1 (Sala Manuel de Falla)</p> <p>Moderan: Sara Torres y Anna González-Neira.</p> <p>C-0171 PROYECTO IMPACT_VUSCAN: VALIDACIÓN FUNCIONAL DE VARIANTES DEEP INTRONIC EN APC, DEL RNA A LA RECLASIFICACIÓN CLÍNICA. Paula Rofes ; Mireia Ramos-Muntada; Mariona Terradas; Anael López; Laura Valle; Clara Ruiz-Ponte; José Luis Soto; Raquel Andrés Conejero; David Marrupe; Carmen Castillo-Manzano; Patricia Prada-Dacasa; Guillem Torcal; Mercedes Robledo; Conxi Lázaro; en representación del Consorcio IMPACT_VUSCan.</p> <p>C-0244 NUEVAS VÍAS EN LOS ESTUDIOS GENÉTICOS GERMINALES DE PREDISPOSICIÓN AL CÁNCER: DE LA AGREGACIÓN FAMILIAR A LOS HALLAZGOS SECUNDARIOS (2005-2025). Adrià López Fernández; Júlia Reig-Jané; Estela Carrasco; Eduard Pérez; Anna Moreno-Garcia; Víctor González-Huici; Alejandra Rezqallah; Berta Campos; Alejandro Moles; Laura Duran-Lozano; Marta Codina-Solà; Susana Aguilar; Conxi Lázaro; Rodrigo Dienstmann; Judith Balmaña.</p> <p>C-0443 VALIDACIÓN DEL PANEL DE NGS DE DISEÑO PROPIO MUT4CHILD PARA LA DETECCIÓN DE DIFERENTES TIPOS DE ALTERACIONES GENÉTICAS EN CÁNCER INFANTIL. Sara de Pablos Vinader; Blanca Beumer Prieto; Clara Venegas Mascaró; Beatriz Ruz Caracuel; Alicia de Pablo Olaiz; Isabel Vallcorba; Jose Juan Pozo; Antonio Pérez Martínez; Elisa Izquierdo Delgado; Adela Escudero López.</p> <p>C-0403 NABP2 COMO GEN CANDIDATO DE PREDISPOSICIÓN A CÁNCER DE MAMA Y OVARIO HEREDITARIO: RESULTADOS DEL PROYECTO IMPACT-VUSCAN. Javier Galego-Carro; Olivia Fuentes-Ríos; Mireia Ramos-Muntada; Dido Carrero; Patricia Prada-Dacasa; Guillem Torcal; Carla Coedo-Costa; Carmen Guillén; Adriana Lasa; Alejandro Moles; Mercedes Robledo; Conxi Lázaro; Miguel de la Hoya; Ana Vega; en representación del Consorcio IMPACT_VUSCan.</p> <p>C-0122 PROGRAMA DE MEDICINA PERSONALIZADA PARA NIÑOS, NIÑAS, ADOLESCENTES Y ADULTOS JÓVENES CON CÁNCER EN ESPAÑA: EL PROYECTO SEHOP-PENCIL. Andrea Vilaplana; Asbleidy C. Torres; Elisa Izquierdo; Piedad Alba-Pavón; Josep Escrivá-Fernández; Roberto-Carlos Raynero; Isabel Cuadrado-Torroglosa; Ana Fernández-Teijeiro; Palma Solano-Páez; Javier Alonso; Cristina Saiz-Ladera; Ana Patiño-García; Cinzia Lavarino; Aroa Soriano; Lucas Moreno.</p> <p>C-0494 CONTRIBUCIÓN DE NUEVOS GENES CANDIDATOS EN LA SUSCEPTIBILIDAD AL CÁNCER DE MAMA EN POBLACIÓN ESPAÑOLA. Jesús González-González; Roberta Radu; Camila Reeb; Yolanda Benitez; Isabel Lorda-Sánchez; Pablo Mínguez; Ana Osorio.</p> <p>C-0510 ESPECTRO CLÍNICO Y CORRELACIONES GENOTIPO-FENOTIPO EN ATP7B: ANÁLISIS DE UNA COHORTE INTERNACIONAL DE LA ENFERMEDAD DE WILSON. Edna Ripollés Campos; Mandy Radefeldt; Daniel Sánchez-Valero; Peter Bauer; Lia Abbasi-Moheb ; Aida Bertoli- Avella ; Alejandro Rincón; Javier García-Planells.</p> |

SESIÓN COMUNICACIONES ORALES 2

(Sala Andalucía II + III)

Moderan:

Francisco Abad y Jesús Novalbos.

C-0093 ASESORAMIENTO GENÉTICO SOBRE SÍNDROMES RECESIVOS PARA GENES DE SUSCEPTIBILIDAD A TUMORES SÓLIDOS: UN PROCESO DE TOMA DE DECISIÓN COLECTIVA.

Judit Sanz Buxó; Núria Dueñas; Ana Raquel Jiménez-Macedo; Lorena Moreno; Estela Carrasco; Èlia Grau; Marta Pineda; en representación del Grupo Catalán de Síndromes de Predisposición a Cáncer Hereditario (CatHCG).

C-0414 CUANDO EL ESTUDIO DE PORTADORES NO BASTA: IMPACTO DEL ASESORAMIENTO GENÉTICO EN FAMILIAS CONSANGUÍNEAS EN UNA COHORTE REAL DE EXOMAS CLÍNICOS CONCLUYENTES.

Berta Sostres; Montse Pauta; Andrea Ros; María del Mar Rovira; Ignacio Blanco.

C-0410 IMPLEMENTACIÓN DE LA FARMACOGENÉTICA EN LA PRÁCTICA CLÍNICA EN ESPAÑA: COHORTE MEDEA.

María del Carmen Mata Martín.

C-0124 MODELOS POLIGÉNICOS PARA LA PREDICCIÓN DEL FRACASO A INFLIXIMAB Y ADALIMUMAB EN ENFERMEDAD INFLAMATORIA INTESTINAL PEDIÁTRICA.

Paula Zapata Cobo; Perceval Velosillo; Sara Salvador-Martín; Gina Hernández-Osio; GEFGEIIP; María Sanjurjo; Luis A. López-Fernández.

C-0447 DESREGULACIÓN DE LA EXPRESIÓN GÉNICA Y DEL SPLICING ALTERNATIVO EN FIBROBLASTOS DE PACIENTES CON SÍNDROME CORNELIA DE LANGE.

Cristina Lucia-Campos; Marta Gil-Salvador; José Luis Cabrera-Alarcón; Julia Del Rincón; Laura Acero; Rebeca Acín-Pérez; María Arnedo; Beatriz Puisac; José Antonio Enríquez; Feliciano J. Ramos; Juan Pié; Ana Latorre Pellicer.

C-0130 DESVELANDO EL PAISAJE EPIGENÉTICO EN DSD: EL ATLAS MULTIÓMICO DE CÉLULAS DE SERTOLI IDENTIFICA ENHANCERS HUMANOS CLÍNICAMENTE RELEVANTES.

María del Pilar Lazúen Moreno; Lara María Bossini Castillo; Sara Fernández Bolívar; Miguel Burgos Poyatos; Rafael Jiménez Medina; Francisco Javier Barrionuevo Jiménez.

C-0162 APROXIMACIÓN MULTI-ÓMICA INTEGRADA EN TEJIDO CEREBRAL POST-MORTEM PARA CARACTERIZAR LA HUELLA MOLECULAR DEL SÍNDROME DE RETT.

Roger Prats i Oliva; Clara Xiol; David de las Heras; Olga de la Caridad Jorge-Torres; Sonia Guil; Mercè Pineda; Mar O'Callaghan; Judith Armstrong.

10:00

SESIÓN COMUNICACIONES ORALES 3

(Sala Albéniz)

Moderan:

Javier Suela y María Gómez.

C-0270 VARIANTES FUNCIONALES RARAS EN REGIONES REGULADORAS DE DNAJC13 ESTÁN SOBRRERREPRESENTADAS EN LA ENFERMEDAD DE PARKINSON.

Roberta Repossi; Andrés Santiago Ortiz Morazán; Alba Pascual; Pedro García-Ruiz; Xochitl Helga Castro-Martínez; Cici E Feliz; Oriol de Fabregues; Lydia Vela; Marina Mata; Juan Carlos Martínez-Castrillo; Guerau Fernandez; The Global Parkinson's Genetics Program (GP2); Francesc Palau; María Teresa Perrián; Janet Hoenicka.

C-0389 DESCUBRIENDO LA ARQUITECTURA GENÉTICA DEL ICTUS PEDIÁTRICO MEDIANTE SECUENCIACIÓN DE EXOMA EN TRÍOS Y ANÁLISIS DE CARGA GÉNICA.

Aina Vaquer Picó; Denise Gala Gornatti; Irene Alonso Pérez; Ana María Domínguez Mayoral; Marc Ventayol Guirado; Juan Antonio Jiménez Barceló; María Victòria Lull Albertí; Víctor José Asensio Landa; Laura Torres Juan; Fernando Santos Simarro; Icíar Martínez López; Joan Montaner Villalonga; Jéssica Hernández Rodríguez; Cristófol Vives Bauzá; Damià Heine Suñer.

C-0324 PREVALENCIA DE VARIANTES PATOGENICAS Y DE SIGNIFICADO INCIERTO EN GENES RNU EN CASOS SIN DIAGNÓSTICO CON TRASTORNOS DEL NEURODESARROLLO DEL PROGRAMA SPAINUDP.

Beatriz Baladrón; Lidia Mirela Mielu; Lidia López; Esther Hernández-San Miguel; Marta Fernández-Prieto; María Victoria Moneo; Sheila Ramos Del Saz; Raúl Contreras; Estrella López-Martín; María J. Barrero; Gema Gómez-Mariano; Eva Bermejo-Sánchez; Beatriz Martínez Delgado.

C-0395 MUTACIONES BIALÉLICAS NO DESCRITAS EN VPS13D DESREGULAN EL SPLICING Y LA AUTOFAGIA EN LA ATAXIA ESPINOCEREBELOSA AUTOSÓMICA RECESIVA TIPO 4 (SCAR4).

Nerea Ramírez Martínez; Daniela Samaniego; Dolores Vilas; Ana Camacho; Manuel Posada; Pau Pastor; Ivelisse Sanchez; Antoni Matilla Dueñas.

C-0491 IDENTIFICACIÓN DE NUEVOS BIOMARCADORES TRANSCRIPTÓMICOS NO INVASIVOS DE RELEVANCIA CLÍNICA EN PACIENTES ESPAÑOLES CON ATAXIA DE FRIEDREICH.

Natalia Benitez-Calle; Nicolás Llanes-Vizcaíno; Daniel Cota-González; Leire Manrique; Raquel Martínez-Díaz; Jon Infante; Ivelisse Sánchez; Antoni Matilla-Dueñas.

C-0545 ESTUDIO DE CORRELACIONES GENÉTICAS, CLÍNICAS, COGNITIVAS Y DE ESTILO DE VIDA EN LA DISTROFIA MIOTÓNICA TIPO 1.

Marc Corral Juan; Clara Moliner Diaz; Alba Herrero-Gómez; Luisa Tenorio; Cynthia Almeida; Estefania Bocanegra; Patricia Garay; Irati Larrañaga; Patricia Alonso; Maitane Bravo; Alvaro S. Larran; Anna Revert Barberà; Alicia López-Martín; Luis Orduña; Raquel Pérez-Gómez; Solange Kapetanovic; Gerardo Gutiérrez-Gutiérrez; Ana Lara Pelayo; Macarena Cabrera; Jorge García-García; Andone Sistiaga; Jorge Alonso-Pérez; Daniel Natera; Nuria Muelas; Sebastián Figueroa-Bonaparte; Daniel Borrás; Virginia Arechavala-Gomez; Arturo López-Castel; Gisela Nogales-Gadea.

C-0551 AVANCES EN EDICIÓN GÉNICA PARA EL TRATAMIENTO Y ESTUDIO DE LAS DISTROFIAS HEREDITARIAS DE LA RETINA.

Laura Siles Mena; Pilar Méndez-Vendrell; Sheila Ruiz-Nogales; Paula Gaudó; Esther Pomares.

10:00

| SESIÓN COMUNICACIONES ORALES 4 | | (Sala Sala Machuca) |
|---------------------------------------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|----------------------------|
| 10:00 | <p>Moderan: Anna Cueto y Xavier Solé.</p> <p>C-0333 CSVS: ECOSISTEMA COLABORATIVO DE VARIABILIDAD GENÉTICA PARA LA OPTIMIZACIÓN DEL DIAGNÓSTICO Y LA MEDICINA PERSONALIZADA EN ESPAÑA. Rosario María Carmona Muñoz; Javier Pérez Florido; Daniel López López; Gema Roldán González; Rocío Jiménez Arias; Virginia Aquino Quintans; Noemí Toro Barrios; Faidra Paraskevi Vadorou; Joaquín Dopazo Blázquez.</p> <p>C-0341 QAFI: PREDICCIÓN DEL IMPACTO FUNCIONAL DE VARIANTES MISSENSE MEDIANTE INTELIGENCIA ARTIFICIAL. VALIDACIÓN EN EL CONCURSO INTERNACIONAL CAGI7. Xavier de la Cruz; Shaopei Ye; Selen Özkan.</p> <p>C-0161 DISECCIONANDO EL IMPACTO EN MOTIVOS DE PROTEÍNAS DE VARIANTES GENÓMICAS PATOGENICAS EN UNA COHORTE HETEROGÉNEA DE 11000 PACIENTES CON ENFERMEDADES RARAS. Graciela Uría Regojo; Yolanda Benitez; Lidia Fernández-Caballero; Cristina Rodilla; Lucía López-López; Almudena Avila-Fernández; María José Trujillo-Tiebas; Ana Osorio; Marta Corton; Berta Almoguera; Carmen Ayuso; Pablo Mínguez.</p> <p>C-0239 SHAPAGE: UNA HERRAMIENTA AUTOMATIZADA PARA LA DATACIÓN DE MUTACIONES MEDIANTE HAPLOTIPOS COMPARTIDOS EN EXOMA Y GENOMA. Marc Ventayol Guirado; Aina Vaquer Picó; Juan Antonio Jiménez Barceló; María Victòria Lluïl Albertí; Jéssica Hernández Rodríguez; Víctor Asensio Landa; Laura Torres Juan; María García de Paso Mora; Eugenia Cisneros Barroso; Jairo Rocha; Fernando Santos Simarro; Iciar Martínez; Damián Heine Suñer.</p> <p>C-0236 INTEGRACIÓN DE BIOMARCADORES GENÓMICOS Y EPIGENÓMICOS PARA EL DIAGNÓSTICO Y LA ESTRATIFICACIÓN DEL RIESGO EN LA ESCOLIOSIS IDIOPÁTICA DEL ADOLESCENTE. Sara El Fadalí García; Germán Casabó Vallés; Eva García López; Maria Trinitat Alberola Pons; María Alejandra Masciangioli; Judit García Guallarte; José Luis García Giménez; Salvador Mena Mollá.</p> <p>C-0344 MADRID PLOT: UNA NUEVA HERRAMIENTA DE VISUALIZACIÓN PARA EL ANÁLISIS INTEGRADO DE LAS EPIFIRMAS CONOCIDAS. Mario Cazalla García; Manuel Rodríguez-Canó; Carlos Rodríguez-Antolín; Cristina Silván; Lucía Miranda-Alcaraz; Tomás Valle; Mónica Mora-Gómez; Natalia Gallego-Zazo; Juan A. Jiménez-Estrada; Valeria Vásquez-Amell; Pedro Arias; METILPREC Consortium; Mathis Hildonen; Zeynep Tümer; Julián Nevado; Víctor L. Ruiz-Pérez; Pablo Lapunzina; Jair Tenorio-Castano.</p> <p>C-0470 INTEGRACIÓN DE DATOS PÚBLICOS MULTICOHORTE DE METILACIÓN DEL ADN PARA IDENTIFICAR FIRMAS DE METILACIÓN ASOCIADAS A LA DETECCIÓN TEMPRANA DEL CÁNCER DE MAMA. Carla Cortina Martín; Guillermo Pita; Hugo Tejera-Pérez; Rocío Núñez-Torres; M. Rosario Alonso; Belén Herráez; Nuria Álvarez; Belén Benavides Mori; Anna González-Neira.</p> | |
| 11:30 | PAUSA CAFÉ / VISITA EXPOSICIÓN | |
| 12:30 | SESIONES / VISITA PÓSTERS FÍSICOS | |
| 13:30 | COMIDA Y SIMPOSIOS PARALELOS INDUSTRIA | |

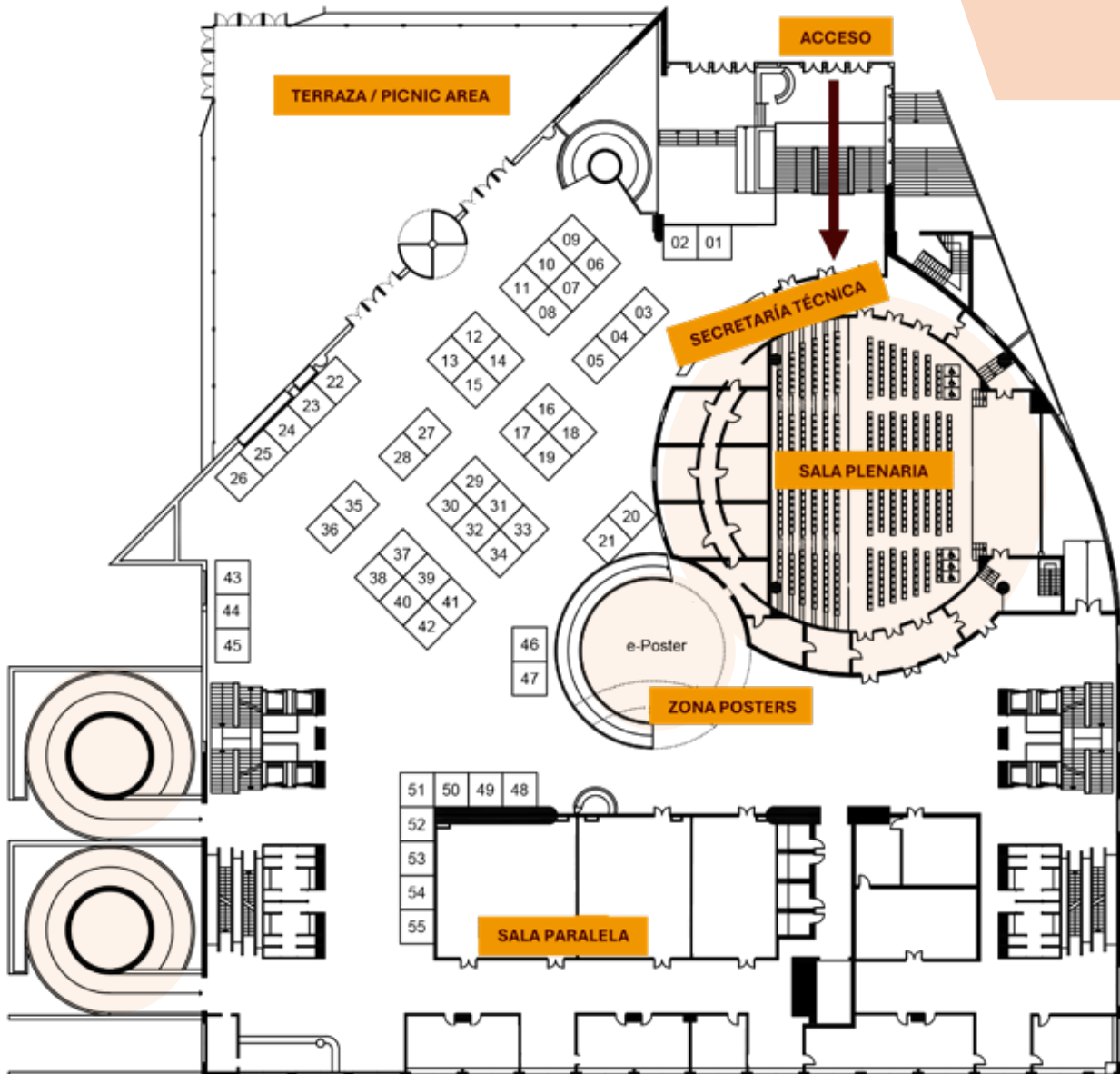
| | |
|--------------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <p>13:45</p> | <p>SIMPOSIO REFERENCE LABORATORY (Sala Manuel de Falla)</p> <p>NUEVOS DESAFÍOS EN GENÉTICA MÉDICA.</p> <p>Trastornos del neurodesarrollo asociados a genes RNU. Dra. María Eugenia Sánchez Gutiérrez. <i>F.E.A.S. Inmunología y Genética, Hospital Universitario de Badajoz.</i> Dr. José María Carbonell Pérez. <i>Jefe de Sección, Hospital Universitario de Badajoz.</i></p> <p>¿Siguiendo paso? Cribado Genómico Neonatal. Dr. Carles de Diego Bogaña. <i>Jefe de Servicio de Genética, Hospital Universitario de Toledo.</i></p> <p>El diablo está en la genética. Javier López Montiel. <i>MSc - Genetista en Departamento de NGS y Biología Molecular, Reference Laboratory Genetics.</i></p>  |
| <p>13:45</p> | <p>SIMPOSIO DIAGNÓSTICA LONGWOOD (Sala Andalucía II + III)</p> <p>CUANDO EL ADN NO ES SUFICIENTE: EL IMPACTO DE LA MULTIÓMICA EN EL DIAGNÓSTICO CLÍNICO REAL.</p> <p>Fragmentómica del cfDNA: nueva "ómica en biopsia líquida". Dr. Joan Anton Puig. <i>Head of Molecular Biology CORE lab, Centre de Diagnòstic Biomèdic.</i></p> <p>Farmacogenómica, desvelando la respuesta farmacológica mediante tecnología de alto rendimiento. Dra. María Isidoro García. <i>Jefe de Servicio de Laboratorio Clínico, Hospital Universitario de Salamanca.</i></p> <p>Paneles de metilación personalizados para la inmunoterapia de precisión. Isabel Barragán Mallofret. <i>Principal Investigator, Head of Translational Research in Cancer Immunotherapy and Epigenetics, Unit of Medical Oncology, Clinical University Hospital of Malaga, Institute of Biomedical Research of Malaga and Nanomedicine Platform (IBIMA-BIONAND platform).</i></p>  |
| <p>13:45</p> | <p>SIMPOSIO LIMBUS MEDTEC (VARVIS) (Sala Albéniz)</p> <p>TRANSFORMANDO EL DIAGNÓSTICO CLÍNICO: LECTURAS LARGAS E INTELIGENCIA ARTIFICIAL.</p> <p>El software varvis®: una plataforma todo-en-uno para el análisis de NGS.</p> <p>Modera: Ana De las Peñas. <i>Limbus Medical Technologies GmbH.</i></p> <p>Las lecturas largas han llegado para quedarse: Cómo el software varvis® facilita el análisis de datos complejos. Dr. Aina Pi i Roig. <i>Nostos Genomics GmbH</i></p> <p>Nuevos horizontes genómicos: la IA en el diagnóstico clínico. Dr. Rocío Acuña. <i>Nostos Genomics GmbH</i></p>  |
| <p>13:45</p> | <p>SIMPOSIO OXFORD NANOPORE TECHNOLOGIES (Sala Machuca)</p> <p>ASK MORE OF YOUR SEQUENCING – OXFORD NANOPORE TECHNOLOGIES.</p> <p>Un único ensayo, perspectivas multiómicas: mejorando el entendimiento de las enfermedades genéticas y el cáncer. Cristina Gamba. <i>Associate Director of Product Marketing, Software and Informatics.</i></p> <p>AI-assisted genome analysis with Nanopore sequencing. Stephan Ossowski. <i>Professor Institute of Medical Genetics and Applied Genomics, University of Tübingen, Tübingen, Germany.</i></p> <p>Bridging the Gap: Clinical Utility of Nanopore Sequencing in Constitutional and Cancer Genetics. Mathilde Filser. <i>Resident in Molecular Biology Institut Gustave Roussy.</i></p>  |

JUEVES 16 DE ABRIL

| | |
|-------|--------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 15:00 | <p>SESIÓN PLENARIA 2 (Sala Manuel de Falla)</p> <p>INTELIGENCIA ARTIFICIAL EN EL DIAGNÓSTICO GENÉTICO: APLICACIONES Y RETOS.</p> <p>Moderan: Sheila Zúñiga Trejos. <i>Responsable de la Unidad de Bioinformática, Instituto de Investigación Sanitaria INCLIVA, Valencia.</i> Julio Lorca. <i>Representante de la Asociación Salud Digital (ASD), Málaga.</i></p> <p>Papel de la Inteligencia Artificial en la ecografía morfológica fetal. Elisenda Eixarch. <i>Especialista en Medicina Materno-Fetal en BCNatal Hospital Clínico y Hospital San Juan de Deu, Barcelona.</i></p> <p>El reto de anotar y clasificar variantes: cómo puede contribuir la IA. José Marcos Moreno Cabrera. <i>Investigador y Bioinformático Clínico en el Instituto Catalán de Oncología, L'Hospitalet de Llobregat, Barcelona.</i></p> <p>Retos éticos de la IA. María Fenollar Cortés. <i>FEA. Doctora UAM. Título de experto en Bioética y en Bioética Clínica, Madrid.</i></p> <p>IA/Gemelos Digitales y las bases moleculares de las enfermedades. Alfonso Valencia. <i>Profesor ICREA y Director del Departamento de Ciencias de la Vida del BSC-CNS, Barcelona.</i></p> |
| 16:30 | <p>DESCANSO</p> |
| 17:00 | <p>TALLER 2 (Sala Manuel de Falla)</p> <p>MANEJO DE VUS.</p> <p>Moderan: Andrea Ros Peña. <i>Asesora genética, Hospital Germans Trias i Pujol, Presidenta Sociedad Española de Asesoramiento Genético (SEAGen). Profesora colaboradora, Tecnocampus – Universidad Pompeu Fabra, Barcelona.</i> Dra. Cristina González. <i>Responsable de Genética Hospital Universitario Infanta Sofía, San Sebastián de los Reyes, Madrid.</i></p> <p>Prenatal. Antonio Poyatos Andujar. <i>Jefe de sección del área de Genética de la Unidad de Gestión Clínica de Laboratorio Clínico del Hospital Universitario Virgen de las Nieves. Granada.</i> Olga Ocón Hernández. <i>Obstetricia y Ginecología del Hospital Universitario Clínico San Cecilio/ibs. Granada.</i></p> <p>Cribado neonatal. Judit García Villoria. <i>Sección de Errores Congénitos del Metabolismo-IBC. Servicio de Bioquímica y Genética Molecular, CDB, Hospital Clínic de Barcelona. IDIBAPS.CIBERER.</i> Mª Luz Couce Picon. <i>Jefe de Servicio de Neonatología y Directora de la Unidad Metabólica del Hospital Clínico Universitario de Santiago de Compostela.</i></p> <p>Oncogenética. Ana Patiño García. <i>Departamento de Pediatría y Unidad de Medicina Genómica y CCUN, Clínica Universidad de Navarra.</i> Dra. Judith Balmaña. <i>Unidad de cáncer hereditario, Servicio Oncología Médica, Hospital Vall d'Hebron, Barcelona.</i></p> <p>Apoyo bioinformático para la reclasificación de VUS e implicaciones para el asesoramiento genético (en enfermedades raras). Diana Salinas Chaparro. <i>Asesora genética en el área de Genética Clínica y Unidad de Predisposición Oncológica del Hospital Sant Joan de Déu, Barcelona.</i> Pablo Mínguez Paniagua. <i>Investigador del área de Genética y Genómica y jefe de la Unidad de Bioinformática del Instituto de Investigación Fundación Jiménez Díaz, Madrid.</i></p> |
| 18:30 | <p>ASAMBLEA AEGH</p> |
| 21:00 | <p>CENA. Restaurante La Azucarera.</p> |

| | |
|-------|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| 09:00 | <p>TALLER 3 (Sala Manuel de Falla)</p> <p>USO DE NUEVAS TECNOLOGÍAS EN CASOS NO DIAGNOSTICADOS.</p> <p>Moderan: Guiomar Pérez de Nanclares. Grupo de investigación en (epi)genética de enfermedades raras Hospital Universitario Cruces – IIS Biobizkaia, Bizkaia. Dra. Anna Cueto-González. Pediatra y Genetista Clínica. Área de Genética clínica y Molecular, ERN-CRANIO, ERN-ITHACA, Vall d'Hebron Barcelona Hospital Campus, Barcelona. Grupo de Medicina Genética, Vall Hebron Research Institute (VHIR), Barcelona.</p> <p>Dídac Casas Alba. Facultativo del Servicio de Genética Médica, Área de Genética, Hospital Sant Joan de Déu, Barcelona y Clara Xiol Viñas. Facultativa de la Unidad de Genómica-NGS, Servicio Diagnóstico de Laboratorio, Hospital Sant Joan De Déu, Barcelona.</p> <p>María Palomares Bralo. Genetista de laboratorio clínico. Instituto de Genética Médica y Molecular (INGEMM), IdiPaz, Hospital Universitario La Paz, Madrid, y Verónica Seidel. Médico genetista en el INGEMM, Hospital Universitario La Paz, Madrid.</p> <p>Mar Costa Roger. Laboratorio de Genética, Área de Genética Clínica y Molecular, Hospital Universitario Vall d'Hebron, Barcelona y Laura Trujillano Lidón. Área de Genética Clínica y Molecular, Grupo de Genética Médica del Hospital Vall d'Hebron, Instituto de Investigación Vall d'Hebron (VHIR), Barcelona.</p> |
| 10:30 | <p>PAUSA CAFÉ</p> |
| 11:00 | <p>SESIÓN PLENARIA 3 (Sala Manuel de Falla)</p> <p>EQUIDAD Y DIVERSIDAD EN GENÉTICA HUMANA.</p> <p>Moderan: Anna Esteve Garcia. Asesora Genética, PhD, Unidad de Genética Clínica Hospital Universitario de Bellvitge, Barcelona. Dr. Toni Martínez Monseny. Jefe del Servicio de Genética Médica, Hospital Sant Joan de Déu, Barcelona.</p> <p>Manejo de pacientes transgénero y de género diverso con predisposición hereditaria al cáncer. Beth Coad. Management of transgender and gender-diverse patients with hereditary cancer predisposition.</p> <p>Diversidad genética poblacional y su impacto en la respuesta a fármacos y en la medicina personalizada. Óscar Lao Gruoso. Científico titular del CSIC, investigador principal en el instituto de biología evolutiva, Barcelona.</p> <p>Retos y dilemas éticos en el establecimiento de un programa nacional de cribado de portadores. Clara Serra Juhe. Adjunta del Servicio de Genética del Hospital de la Santa Creu y Sant Pau, Barcelona.</p> <p>IRPVS: una base de datos de variabilidad genética de la población romaní española para una medicina de precisión más inclusiva. Javier Pérez Florido. Investigador posdoctoral, Plataforma de Medicina Computacional, Fundación Progreso y Salud. Instituto de Biomedicina de Sevilla. CIBER Enfermedades Raras.</p> |
| 12:30 | <p>SESIÓN DE CLAUSURA (Sala Manuel de Falla)</p> <p>DESCUBRIMIENTO Y CARACTERIZACIÓN DE LAS FORMAS DOMINANTE Y RECESIVA DEL SÍNDROME ReNU2.</p> <p>Moderan: Carlota Rodó Rodríguez. Facultativa especialista, Unidad de Medicina Fetal, Servicio de Obstetricia y Ginecología Hospital Universitari Vall d'Hebron, Barcelona. Miguel Ángel Moreno. Vicepresidente AEGH, Jefe servicio de Genética Hospital Ramon y Cajal, Madrid.</p> <p>Ponente: Ernest Turro. Icahn School of Medicine at Mount Sinai, New York.</p> |
| 13:30 | <p>SESIONES INSTITUCIONALES Y ENTREGA DE PREMIOS (Sala Manuel de Falla)</p> |

PLANO DE LA EXPOSICIÓN



1. BLUEPRINT GENETICS
2. SOPHIA GENETICS
3. REFERENCE LABORATORY
4. REFERENCE LABORATORY
5. DIAGNÓSTICA LONGWOOD
6. HEALTH DIAGNOSTICS
7. CNAG
8. SYSMEX
11. AKRALAB
12. HEALTH IN CODE
13. HEALTH IN CODE
14. CEGAT
15. PROQUINORTE
16. DEVYSER

17. DREAMGENICS
18. LIMBUS MEDTEC
19. DREAMGENICS
20. ILLUMINA
21. ILLUMINA
22. HAMILTON
23. THERMO FISHER
24. LABGENETICS
27. IDT DNA
28. PALEX
29. VERITAS
30. ENGENOME
31. AGILENT
32. VARSOME

33. SEQONE
34. EUROFINS
35. BIO-TECHNE
36. CONDALAB
37. CENTOGENE
39. PACBIO
41. NANOPORETECH
42. NANOPORETECH
43. NOVOGENE
46. LACAR MDX
47. NIMAGEN
48. DURVIZ

INFORMACIÓN GENERAL

FECHAS:

15 al 17 de Abril de 2026



SEDE:

Palacio de Congresos de Granada
Paseo del Violón 2, Zaidín
18006 Granada



WIFI

Pueden acceder a la red wifi con los siguientes datos:

Usuario: GENETICA2026

Contraseña: 2026GENETICA



INSCRIPCIONES Y RESERVAS



| Cuotas | Hasta el 16 marzo 2026 | Hasta el 1 abril 2026 | Desde el 2 abril 2026 |
|-----------------------|------------------------|-----------------------|-----------------------|
| Socios * | 400 € | 430 € | 470 € |
| No Socios | 440 € | 470 € | 520 € |
| Estudiantes | 250 € | 280 € | 390 € |
| Cuota diaria | 150 € | 180 € | 210 € |
| Inscripción virtual** | 150 € | 150 € | 180 € |
| Cena del congreso | 60 € | 60 € | 60 € |

Socios (AEGH, AEDP, SEGCD, SEFF, SEAGEN, SEBiBC o ASD).

21% IVA incluido

La cuota de inscripción incluye la documentación oficial del Congreso, la asistencia a todas las sesiones y talleres (siempre que exista aforo en la sala), los cafés y los almuerzos de trabajo. Para acceder a las sesiones científicas es imprescindible disponer de la acreditación que se entregará con la documentación.

**Cuota diaria incluye: asistencia a las sesiones del día seleccionado, almuerzo, documentación oficial y certificado de asistencia. No incluye ni el cóctel ni la cena. Esta cuota es exclusiva para un sólo día; en caso de asistir más de 1 día es obligatorio tramitar la inscripción completa al Congreso. Cuota de inscripción NO VÁLIDA para personas con comunicaciones (ni orales ni pósters. Las personas que tengan comunicaciones presentadas deben inscribirse con la cuota normal del congreso)

*** Inscripción virtual: cuota pensada para personas residentes en Latinoamérica (sin comunicaciones presentadas) o personas con dificultades para desplazarse a Granada. Se retransmitirá en directo todas las sesiones marcadas con R en el programa (Auditorio 1). Cuota de inscripción NO VÁLIDA para personas con comunicaciones (ni orales ni pósters. Las personas que tengan comunicaciones deben inscribirse con la cuota normal del congreso). Las sesiones serán grabadas y podrán visualizarse también en diferido por un periodo de 1 mes después del Congreso. Fecha límite de inscripción: 15 de abril.

DESPLAZAMIENTO Y DESCUENTOS EN VIAJES:

RENFE colaborará aportando sus medios y ofreciendo las máximas facilidades de viaje a todos los asistentes con descuento en el AVE/Larga distancia.

Estos descuentos podrán aplicarse al comprar su billete online (http://empresas.renfe.com/viajeros/tarifas/eventos_tutorial.html) o mediante la presentación de la cédula de viaje en cualquier punto de venta (Estaciones, Agencias de Viajes y Oficinas de Ventas) a la hora de comprar sus billetes.

La autorización de descuento le será enviada junto a la confirmación de inscripción. Para cualquier consulta, pueden escribirnos a inscripciones@geyseco.es





IDENTIFICACIÓN PERSONAL:

Con su registro le entregarán su identificación personal. Es obligatorio llevarla de forma visible en todo momento.

La acreditación es personal y no puede ser traspasada a ninguna otra persona.

Su acreditación dispone de un código QR que servirá para registrar su asistencia a las sesiones y poder emitir, posteriormente, el diploma correspondiente.



ACREDITACIÓN:

Se han solicitado créditos de formación continuada. Existirá un control de acceso en cada sala en las sesiones acreditadas.



CÓCTEL DE BIENVENIDA:

El miércoles 15 de abril se realizará el cóctel en la zona de exposición comercial y está abierto a todos los inscritos del Congreso. Duración estimada 60 minutos.



CENA DEL CONGRESO:

Precio: 60,00 €

Jueves 16 de abril a las 21:00h en la Azucarera (Ctra. de Málaga, 172, Chana, 18015 Granada).

Es imprescindible acudir con la acreditación que tiene señalizada la compra de la cena.

El desplazamiento a la cena es de forma individual (no habrá autobuses).



ZONA DE POSTERS ELECTRÓNICOS:

Existen pantallas distribuidas por la sede para la visualización de los posters electrónicos presentados en el Congreso.

Los mejores posters, candidatos a premio, están expuestos en paneles físicos en la zona de descanso de la exposición comercial.



CERTIFICADOS:

Todos los certificados (comunicaciones orales, posters y asistencia) se enviarán en formato digital por correo electrónico una vez finalizado el congreso.

SECRETARÍA TÉCNICA

c/ Universidad, 4-4 · 46003 - Valencia

TEL +34 963 52 48 89 · secretaria@geneticahumana.org



EVENTO AVALADO POR:



COLABORADORES DIAMANTE

| | |
|-------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------|
|  |  |
|  |  |
|  |  |
|  |  |

COLABORADORES PLATINO

| | | |
|-----------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------------------------------------------|
|  |  |  |
|  |  | |

COLABORADORES

| | | |
|-------------------------------------------------------------------------------------|-------------------------------------------------------------------------------------|--------------------------------------------------------------------------------------|
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  |  |
|  |  | |

Maxwell RSC Instrument and Kits

Automated Nucleic Acid Extraction for Life Sciences Research

Automated Nucleic Acid Purification.

Explore our full range of kits



Many samples, one instrument.

LOAD-AND-GO
EXTRACTION

SAVE UP TO
40 MINUTES
OF HANDS
ON TIME PER
RUN

RELIABLE,
REPRODUCIBLE
RESULTS

ONE SAMPLE,
ONE CARTRIDGE
- NO WASTE -

CELLS AND
TISSUES

ENVIROMENTAL

AND MUCH
MORE

BIOFLUIDS

FFPE